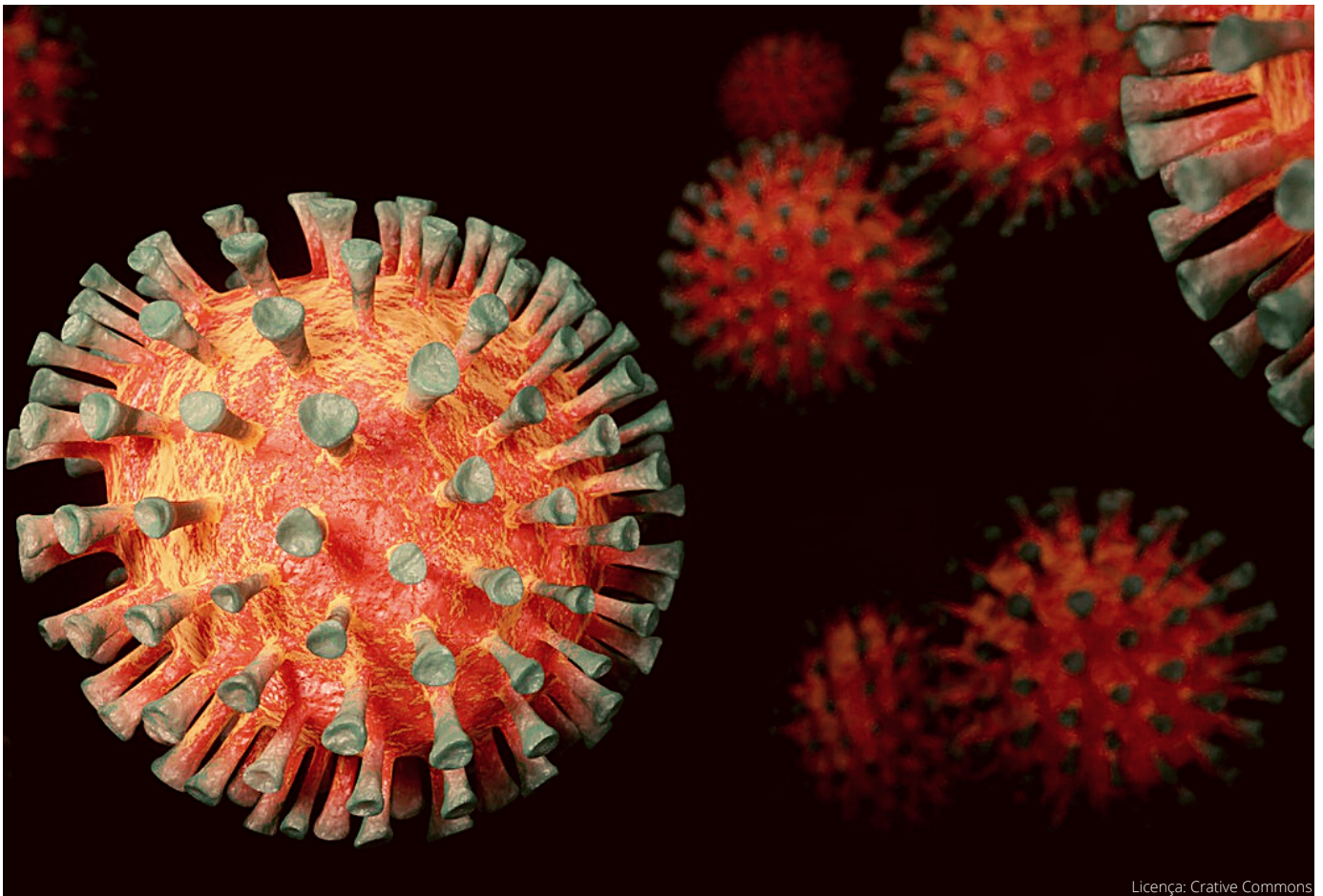


INSTITUTO ADOLFO LUTZ

SARS-COV-2

MONITORAMENTO

FEV 2021



Licença: Crative Commons



INSTITUTO ADOLFO LUTZ



Secretaria da Saúde



Onde estamos?

LINHAGENS CIRCULANTES

Instituto Adolfo Lutz confirma casos da nova variante do SARS-CoV-2 proveniente do Amazonas em São Paulo

A Secretaria de Estado da Saúde de São Paulo confirmou, nesta terça-feira (26), os três primeiros casos da nova variante do Amazonas no Estado de São Paulo.

A confirmação foi feita pelo **Laboratório Estratégico do Instituto Adolfo Lutz**, que é referência nacional e vinculado à pasta estadual, após o sequenciamento genético de amostras com detecção do SARS-CoV-2 pelo **Centro de Virologia** do Instituto que, de maneira célere, sinalizou tratarem-se de amostras suspeitas e as encaminhou para a realização de sequenciamento.

Os pacientes são um homem de 49 anos e duas mulheres de 79 e 51 anos, que vieram de Manaus a São Paulo. O primeiro retornou de viagem a Manaus, desenvolveu a doença, evoluiu a caso grave e atualmente está curado. No caso das duas mulheres, uma veio de Manaus para um tratamento médico, sendo acompanhada pela outra. Uma delas se encontra internada e a outra já recebeu alta.

Os vírus sequenciados são da **linhagem P.1**, possuem, entre outras, mutações nas posições 484 e 501 do gene que codifica a proteína *Spike*, que poderiam estar associadas a um maior potencial de transmissão, apesar de não haver comprovação científica até o momento de que esta variante seja mais virulenta ou transmissível em comparação a outras previamente identificadas.

As sequências, depositadas na *Global Initiative on Sharing All Influenza Data* – GISAID, o maior banco de dados para o compartilhamento dos dados de Influenza e outros vírus respiratórios, sob os n°s de acesso EPI_ISL_872191, EPI_ISL_872192 e EPI_ISL_875688, correspondem a 99,9% do genoma do SARS-CoV-2 e possuem 98% das bases com no mínimo 500 leituras, e cobertura entre 5.000 e 6.000 vezes, o que confere confiabilidade aos resultados, em virtude da excelente qualidade das sequências obtidas.

