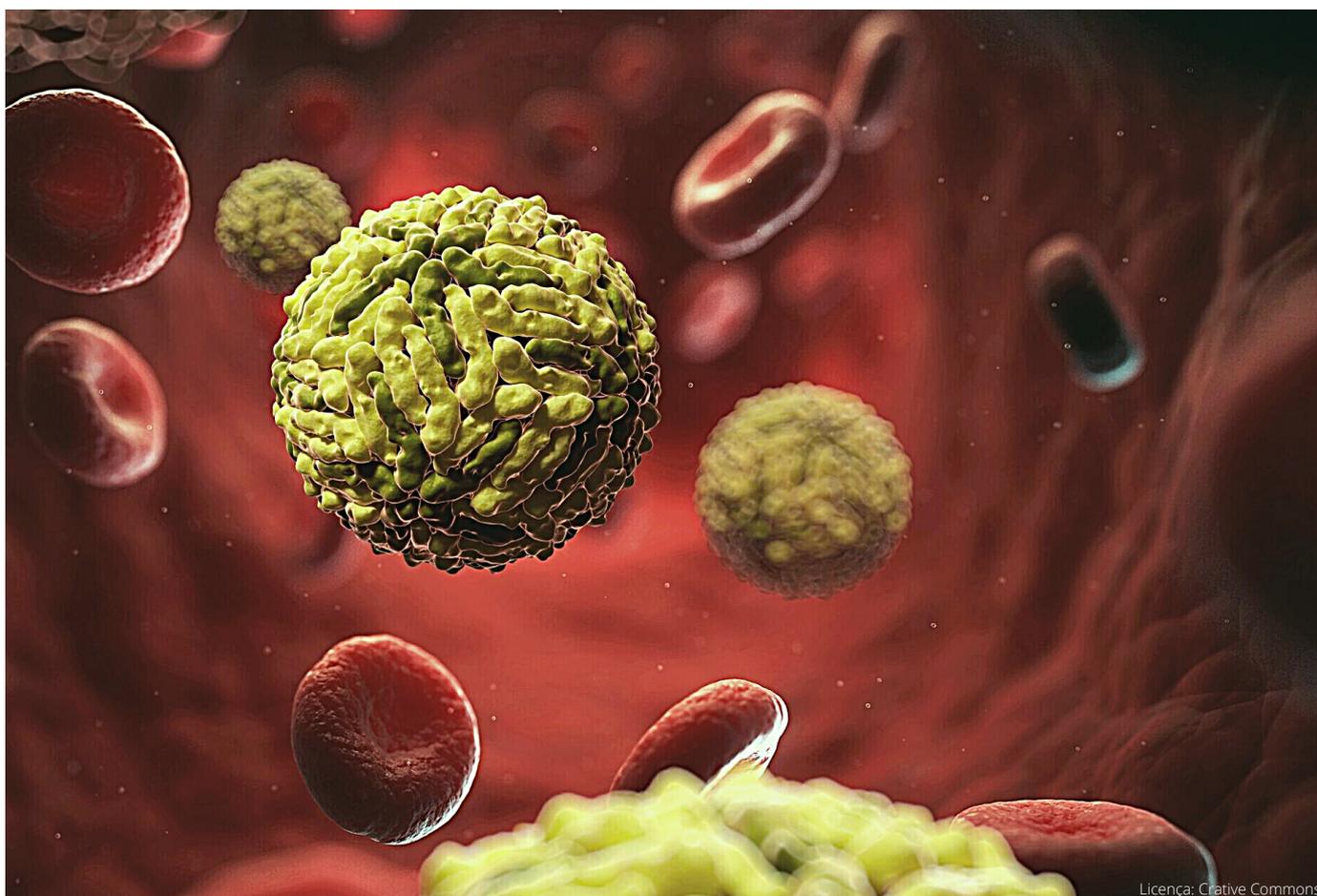


INSTITUTO ADOLFO LUTZ

VÍRUS DA DENGUE SOROTIPO 1

MAI 2022

 @IALutz





Onde estamos?

MONITORAMENTO GENÔMICO

Sequenciamento do vírus nos últimos três anos permitiu observar circulação do genótipo V em São Paulo

O **Laboratório Estratégico** do Instituto Adolfo Lutz realiza o sequenciamento de amostras positivas para o vírus da dengue detectadas pelo **Núcleo de Doenças de Transmissão Vetorial**, para fins de vigilância das arboviroses no Estado de São Paulo.

Foram sequenciadas até o momento 95 amostras de **Dengue 1**, sorotipo responsável por **mais de 95% dos casos** este ano, com datas de coleta de 2020 até 2022, para a obtenção de **panorama de circulação** deste sorotipo em território paulista.

Todas as sequências obtidas até agora foram classificadas como integrantes do **genótipo V**, o mais prevalente nas Américas nos últimos anos. Foram realizadas análises preliminares com uma comparação desses dados aos genomas disponíveis na plataforma *NCBI/GenBank* entre 2008 e 2022, e foi possível observar que no Brasil os exemplares podem ser agrupados em quatro subclados. As sequências do Estado de São Paulo foram classificadas em três deles (A, B e D), nenhum exclusivo das amostras paulistas, sendo sua maioria representantes do **Clado A**, conforme demonstrado na árvore filogenética abaixo.

BRASIL - Dengue 1, Genótipo V (2008-2022)

