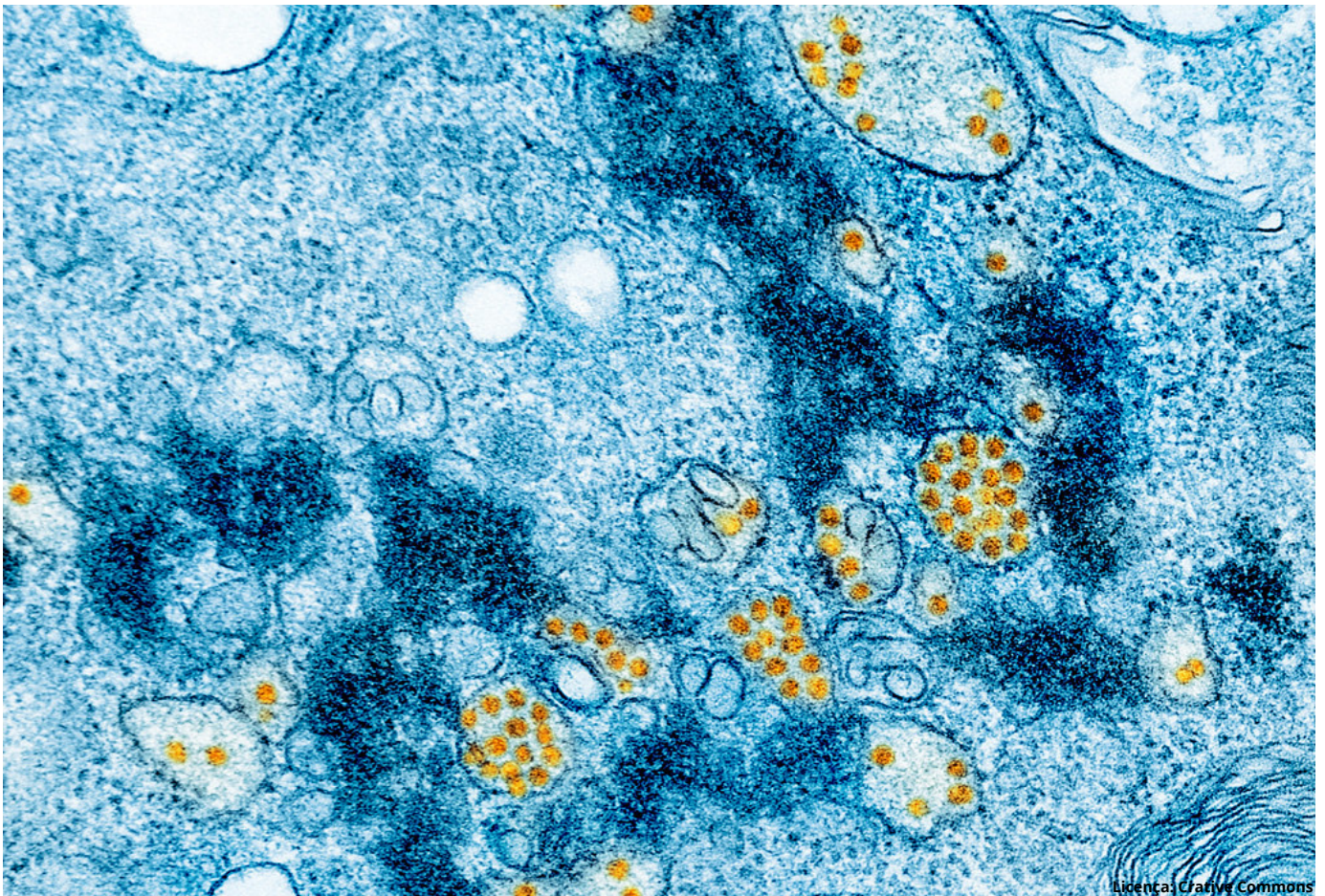


INSTITUTO ADOLFO LUTZ

FEBRE AMARELA 1ª EPIZOOTIA

MAR 2023

 @IALutz





Onde estamos?

CARACTERIZAÇÃO GENÔMICA



Licença: Crative Commons

Instituto Adolfo Lutz detecta primeiro caso de epizootia por febre amarela e obtém genoma completo do vírus

O **Laboratório Estratégico** do Instituto Adolfo Lutz, unidade de resposta rápida especializada no uso de metodologias avançadas em biologia molecular, obteve o **genoma completo do vírus da febre amarela** de uma amostra proveniente da primeira confirmação de epizootia pelo vírus em 2023 no Estado de São Paulo.

O caso foi confirmado em um primata não humano (PNH) da espécie *Callicebus nigrifons*, encontrado morto no **município de Águas da Prata**, no nordeste do Estado. A confirmação foi realizada pelos métodos imuno-histoquímico e molecular (RT-qPCR) no **Centro de Patologia**, e o material genético foi enviado para sequenciamento pelo **Núcleo de Doenças de Transmissão Vetorial do Centro de Virologia**, após detecção.

O genoma completo, que se encontra depositado no banco de dados NCBI/Genbank e é o primeiro com data de coleta a partir de 2020, possui **cobertura de mais de 15.000x** e pôde ser classificado como pertencente ao **genótipo South America I**. Após análise filogenética em comparação a outros depósitos brasileiros do mesmo genótipo, representada na figura a seguir, foi observado que o vírus apresenta características genéticas muito próximas a outro exemplar isolado em 2015, no Estado de Minas Gerais, também de um PNH.

