

INSTITUTO ADOLFO LUTZ

FEBRE AMARELA CASO EM HUMANO

MAI 2023

 @IALutz



Licença: Crative Commons



**SÃO
PAULO**
GOVERNO
DO ESTADO
Secretaria de
Saúde



Onde estamos?

CARACTERIZAÇÃO GENÔMICA



Instituto Adolfo Lutz confirma caso de febre amarela em humano e obtém genoma completo do vírus

O **Laboratório Estratégico** do Instituto Adolfo Lutz, unidade de resposta rápida especializada no uso de metodologias avançadas em biologia molecular, obteve o **genoma completo do vírus da febre amarela** de uma amostra proveniente de um óbito suspeito em 2023 no Estado de São Paulo.

O caso de febre amarela silvestre foi confirmado pela detecção por RT-PCR de vírus da febre amarela silvestre pelo **Núcleo de Doenças de Transmissão Vetorial do Centro de Virologia** em paciente do sexo masculino, de 44 anos, residente do **município de São João da Boa Vista**, no nordeste do Estado. As informações epidemiológicas referentes ao caso constam no **Alerta Epidemiológico número 03/2023**, de 22 de maio de 2023, divulgado pelo Centro de Vigilância Epidemiológica.

O genoma completo obtido da amostra, que se encontra depositado no banco de dados NCBI/Genbank, possui **cobertura de mais de 43.000x** e pôde ser classificado como pertencente ao **genótipo South America I**. Após a realização de análise filogenética em comparação ao demais depósitos brasileiros de do vírus, incluindo o genoma obtido de amostra referente ao caso de epizootia em PNH no mês de março de 2023, no município de Águas da Prata, foi possível verificar que o vírus detectado apresenta características genéticas muito próximas das do agente identificado naquela ocasião, conforme se demonstra na árvore filogenética abaixo.

Febre amarela vírus CDS completo Brasil 1980 a 2023 (n=190)

