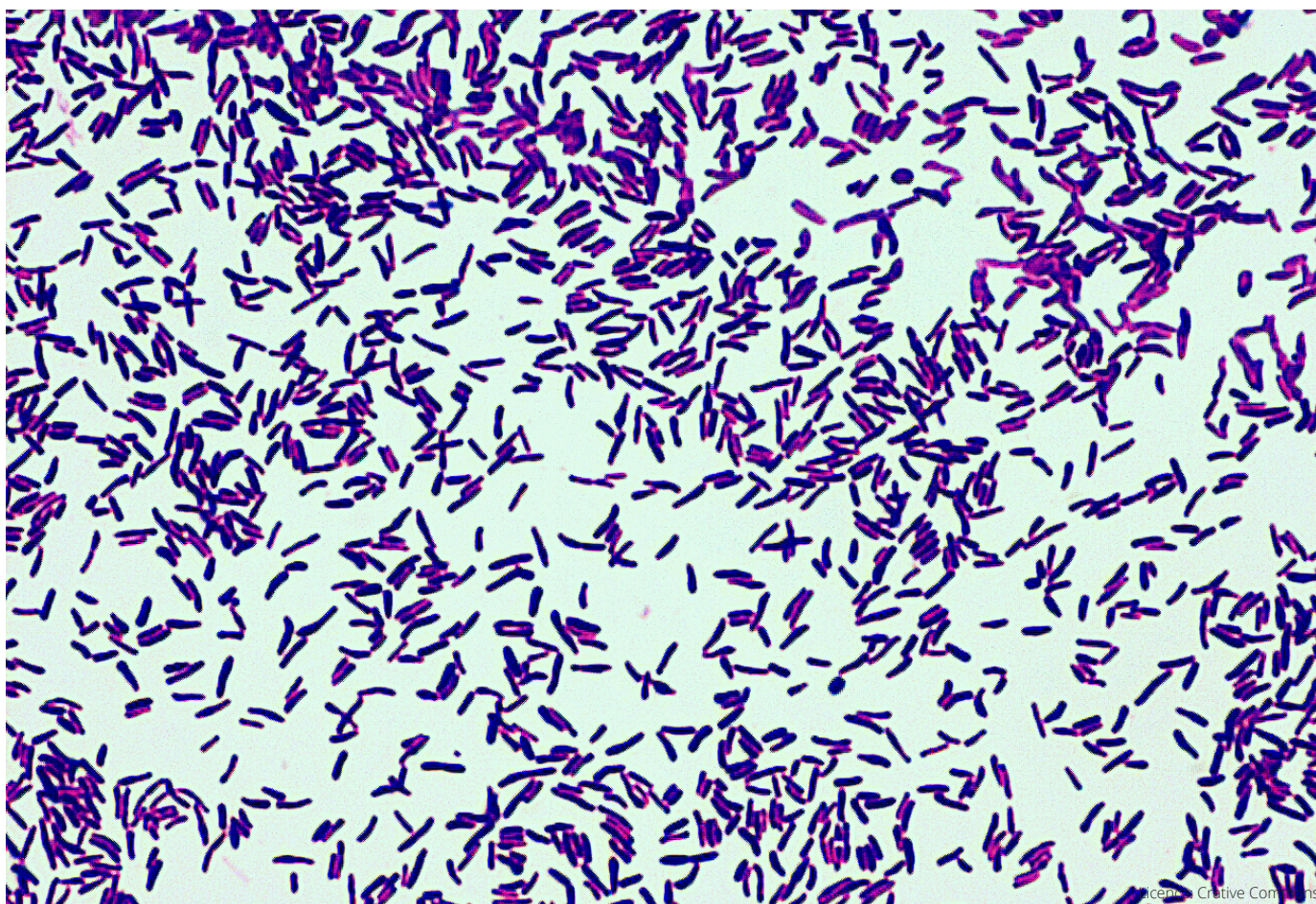


INSTITUTO ADOLFO LUTZ

# VIGILÂNCIA DA DIFTERIA

MAI 2022 (2)

 @IALutz





Onde estamos?

# CONHECIMENTO GENÔMICO

## Instituto Adolfo Lutz obtém os primeiros resultados de estudo genômico com isolados bacterianos de quase 5 décadas

O **Núcleo de Meningites, Pneumonias e Infecções Pneumocócicas**, em parceria com o **Laboratório Estratégico** do Instituto Adolfo Lutz, tem realizado um estudo genômico para caracterizar isolados de *Corynebacterium diphtheriae*, bactéria causadora da difteria, com o uso do sequenciamento do genoma completo (WGS) obtidos a partir de 1974 no Estado de São Paulo.

A relação entre os isolados foi avaliada pela análise de SNPs, utilizando a plataforma **CSI Phylogeny**. Esta análise apresentou perfeita concordância com os grupos definidos por Multilocus Sequence Typing (**MLST**), sendo mais discriminatória.

De um total de 400 amostras que serão analisadas até o final do estudo, 133 já foram sequenciadas e classificadas filogeneticamente. Já foi possível observar que, dos 20 tipos característicos de SP, 8 foram mais prevalentes (representando 77% do total), sendo que o **tipo A (MLST-174)** constituiu **29% dos casos sequenciados**, conforme pode ser observado na árvore filogenética a seguir.

