

INSTITUTO ADOLFO LUTZ

# SEQUENCIAMENTO ORPOUCHE

AGO 2024

 @ialoficial  @IALutz



Secretaria da  
Saúde



SÃO PAULO  
GOVERNO DO ESTADO  
SÃO PAULO SÃO TODOS



Onde estamos?

# METODOLOGIA IMPLANTADA

## Instituto Adolfo Lutz sequencia genoma completo do vírus em amostras dos primeiros casos autóctones de São Paulo

O **Laboratório Estratégico do Instituto Adolfo Lutz**, responsável pelo sequenciamento na instituição e pela **vigilância genômica** de agentes infecciosos no estado de São Paulo, implantou a metodologia para o sequenciamento genético do vírus da **febre do Oropouche**, obtendo o genoma completo dos exemplares identificados nos dois primeiros casos autóctones do estado.

Os casos foram detectados pelo **Núcleo de Doenças de Transmissão Vetorial** do Instituto, em amostras provenientes da **vigilância sentinela de arboviroses** do estado de São Paulo, e ocorreram em pacientes do sexo feminino residentes do município de Cajati, no Vale do Ribeira, que não realizaram deslocamento prévio a áreas endêmicas ou de circulação do vírus, conforme apontado na investigação coordenada pelo **Centro de Vigilância Epidemiológica "Prof. Alexandre Vranjac"**.

O vírus Oropouche é um vírus de RNA trissegmentado de fita simples, que faz parte da família *Peribunyaviridae*. Os genomas obtidos, já submetidos para depósito no banco *NCBI/GenBank*, possuem **cobertura total nas regiões de genes codificantes nos seus 3 segmentos** e, conforme análise filogenética realizada pelo Instituto, os exemplares fazem parte do **mesmo grupo monofilético dos caracterizados no Acre, no Amazonas e em Rondônia** em 2023 e 2024, conforme pode ser observado na árvore filogenética abaixo, feita com as sequências genéticas dos segmentos S, M e L concatenadas.

